

Métodos Computacionais para Inferência Estatística

Capítulo 2 - Modelos de Regressão

Wagner Hugo Bonat
Paulo Justiniano Ribeiro Jr
Elias Teixeira Krainski
Walmes Marques Zeviani

LEG: Laboratório de Estatística e Geoinformação
Universidade Federal do Paraná

30 de julho de 2012

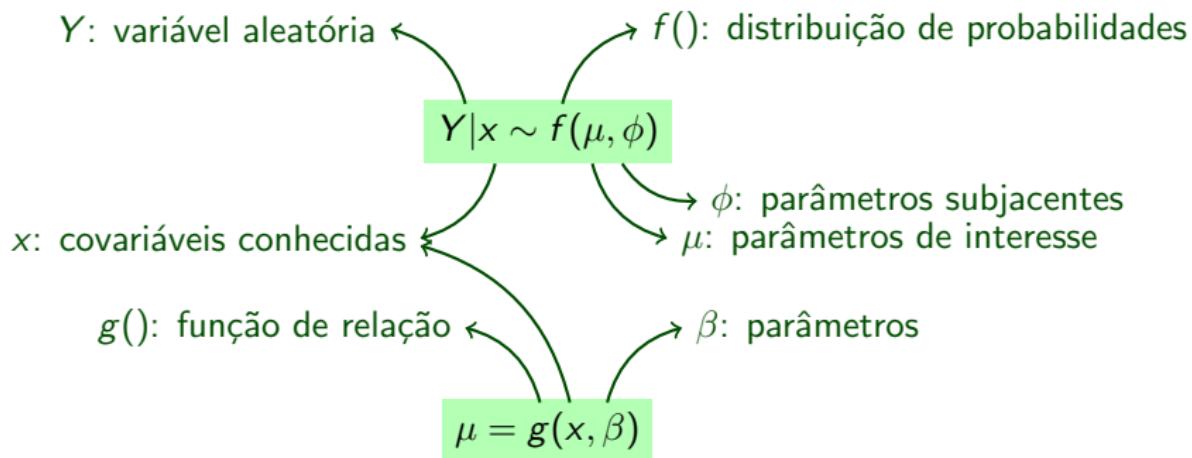


Objetivo e estrutura

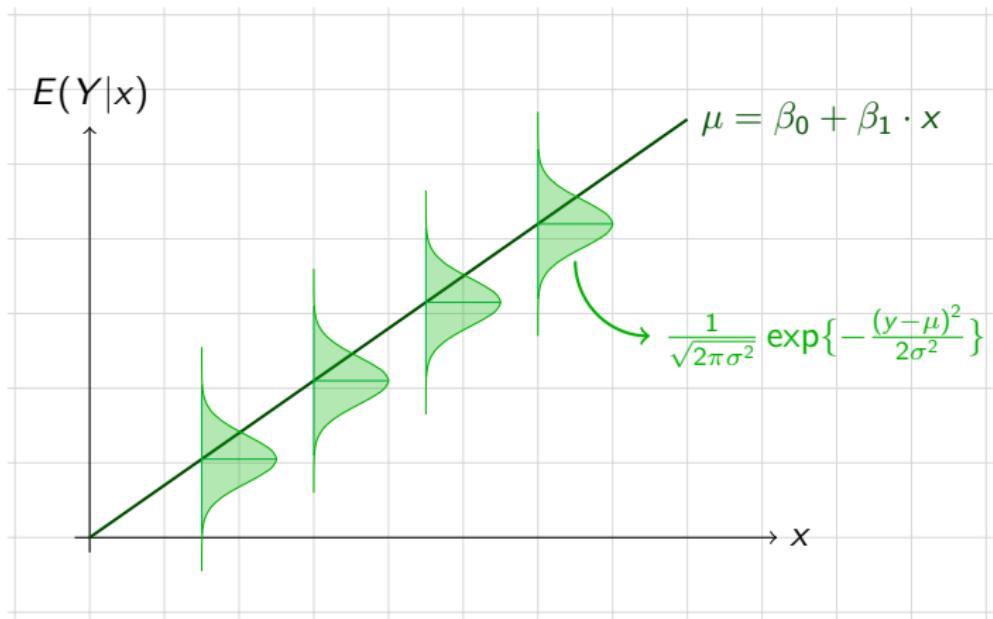
- ① Modelos de regressão;
- ② Regressão de Poisson;
- ③ Regressão Contagem-Gama (contagem com subdispersão);
- ④ Regressão não linear (reparametrizações do modelo logístico);

Objetivo e estrutura

- Procura-se explicar a variação em uma variável aleatória dado conhecimento sobre covariáveis;

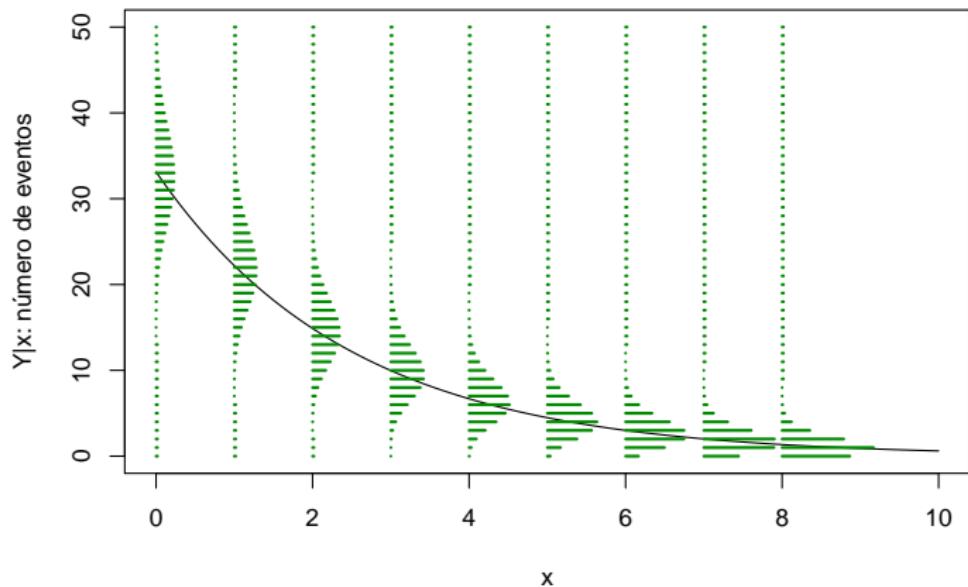


Modelo de regressão linear simples



Regressão de Poisson (GLM Poisson)

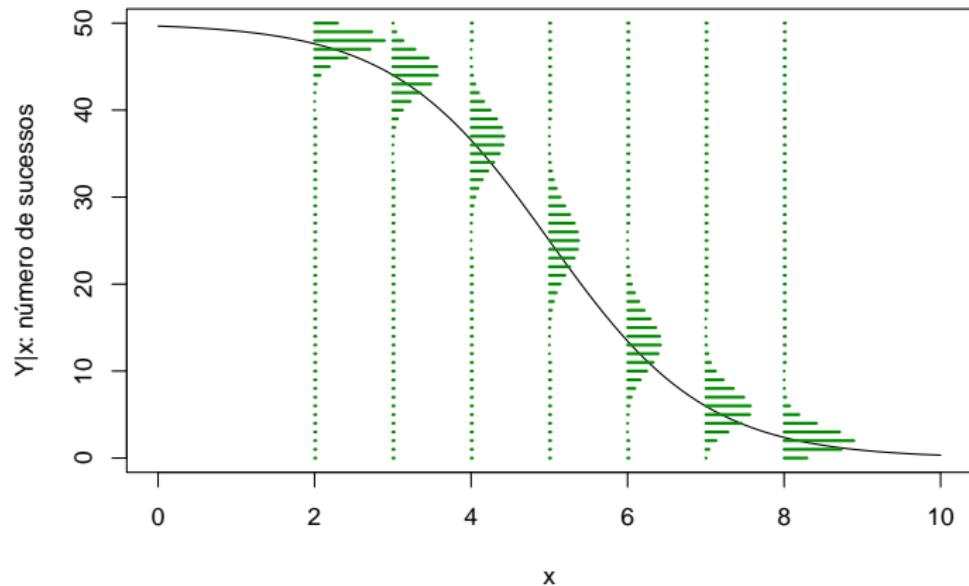
$$Y|x \sim \text{Poisson}(\lambda) \quad \lambda = \exp\{\beta_0 + \beta_1 x\}$$



Regressão logística (GLM Binomial)

$$Y|x \sim \text{Binomial}(n, p)$$

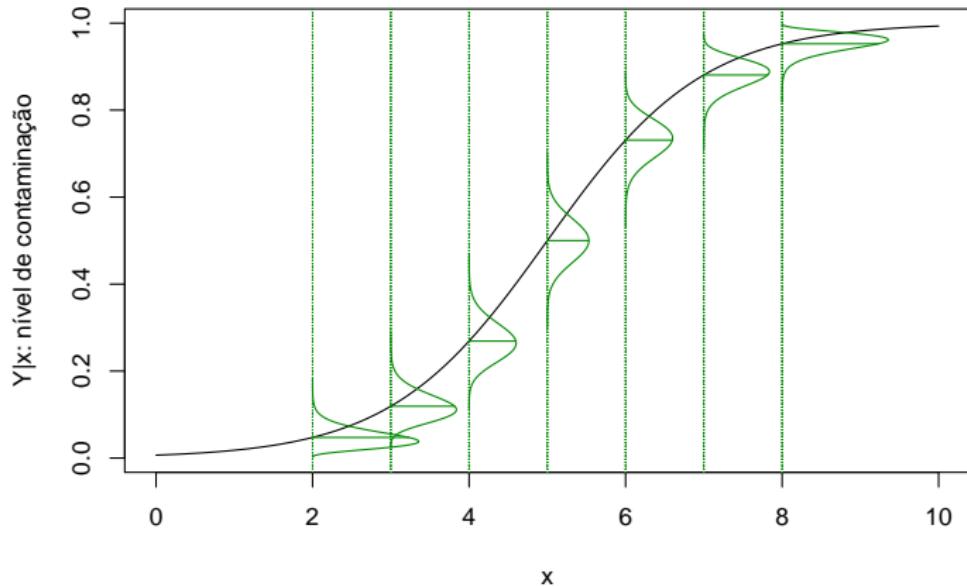
$$p = \exp\{\beta_0 + \beta_1 x\} / (1 + \exp\{\beta_0 + \beta_1 x\})$$



Regressão Beta

$$Y|x \sim \text{Beta}(\mu, \phi)$$

$$\mu = \exp\{\beta_0 + \beta_1 x\} / (1 + \exp\{\beta_0 + \beta_1 x\})$$

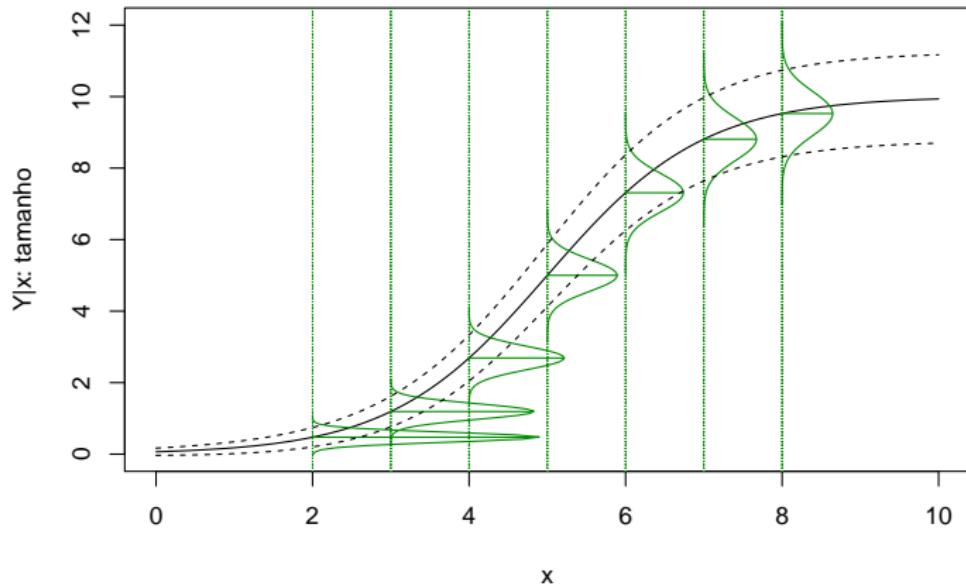


Regressão não linear com heterogeneidade de variância

$$Y|x \sim \text{Gaussiana}(\mu, \sigma)$$

$$\mu = A/(1 + \exp\{-(x - \bar{x})/S\})$$

$$\sigma = f(z, \delta)$$



Regressão de Poisson: verossimilhança

- Função de probabilidade

$$\Pr(Y = y) = \frac{\exp\{-\lambda\}\lambda^y}{y!}, \quad \lambda > 0, \quad y = 0, 1, 2, \dots;$$

- Momentos

$$E(Y) = \lambda \quad \text{e} \quad V(Y) = \lambda;$$

- Função de relação

$$\lambda = g(x, \beta) : \mathbb{R} \rightarrow \mathbb{R}_*^+,$$

- Usualmente

$$\lambda = \exp\{X\beta\}.$$

Regressão de Poisson: log-verossimilhança

- Função de verossimilhança

$$L(\lambda; y) = \prod_{i=1}^n \frac{\exp\{-\lambda\}\lambda_i^y}{y_i!};$$

- Função de log-verossimilhança $\ell(\cdot) = \log L(\cdot)$, $\lambda_i = \exp\{x_i^\top \beta\}$,

$$\ell(\beta; y, X) = \sum_{i=1}^n -\exp\{x_i^\top \beta\} + y_i x_i^\top \beta - \log(y_i!);$$

- Em forma vetorial

$$\ell(\beta; y, X) = -\mathbf{1}^\top \exp\{X\beta\} + \mathbf{y}^\top X\beta - \mathbf{1}^\top \log(\mathbf{y}!);$$

Regressão de Poisson: função escore e hessiana

- $\ell(\cdot)$ vetorial

$$\ell(\beta; y, X) = -\mathbf{1}^\top \exp\{X\beta\} + \mathbf{y}^\top X\beta - \mathbf{1}^\top \log(y!);$$

- Função escore $U(\beta) = \frac{\partial \ell}{\partial \beta}$,

$$U(\beta) = (\mathbf{y} - \exp\{X\beta\})^\top X;$$

- Matriz de informação observada $I_o(\beta) = \frac{\partial U}{\partial \beta}$,

$$I_o(\beta) = X^\top (\text{diag}(\exp\{X\beta\})) X;$$

Regressão de Poisson: simulação

Simulando dados

$$Y|x \sim \text{Poisson}(\lambda)$$

$$\lambda = \exp\{\beta_0 + \beta_1 x\}$$

```
> simula.poisson <- function(formula, beta){  
+   X <- model.matrix(formula)  
+   lambda <- exp(X%*%beta)  
+   y <- rpois(nrow(X), lambda=lambda)  
+   return(data.frame(y=y, X=X))  
+ }
```

```
> set.seed(123)  
> cov <- seq(0, 5, length=10)  
> dados10 <- simula.poisson(~cov, beta=c(2, 0.5))  
> str(dados10)  
  
'data.frame':      10 obs. of  3 variables:  
 $ y             : num  6 12 12 23 22 30 49 54 57 73  
 $ X..Intercept.: num  1 1 1 1 1 1 1 1 1 1  
 $ X.cov         : num  0 0.556 1.111 1.667 2.222 ...
```



Regressão de Poisson: cálculo do escore e hessiana

Vetor escore e matriz hessiana

```
> escore <- function(par, formula, dados){  
+   X <- model.matrix(as.formula(formula), data=dados)  
+   esco <- t(dados$y-exp(X%*%c(par[1], par[2])))%*%X  
+   return(as.vector(esco))  
+ }  
  
> hessiano <- function(par, formula, dados){  
+   X <- model.matrix(as.formula(formula), data=dados)  
+   mat <- diag(length(dados$y))  
+   diag(mat) <- -exp(X%*%c(par[1], par[2]))  
+   H <- t(X)%*%mat%*%X  
+   return(H)  
+ }  
  
> hessiano <- function(par, formula, dados){  
+   X <- model.matrix(as.formula(formula), data=dados)  
+   H <- crossprod(X*(-exp(drop(X%*%par))), X)  
+   return(H)  
+ }
```

$$\downarrow U(\beta) = (y - \exp\{X\beta\})^T X$$

$$\downarrow I_o(\beta) = -X^T (diag(\exp\{X\beta\})) X$$

\downarrow +eficiente

Regressão de Poisson: estimação

- estimação pelo Newton-Raphson

```
> estimativa <- NewtonRaphson(initial=c(0,0), escore=escore, hessiano=hessiano,
+                                 max.iter=100, n.dim=2, formula=~cov", dados=dados10)
> estimativa
[1] 2.2285674 0.4276769
```

- informação

```
> Io <- -hessiano(par=estimativa, formula=~cov", dados=dados10)
> Io
```

	(Intercept)	cov
(Intercept)	338.000	1182.222
cov	1182.222	4796.149

- intervalos de confiança

```
> desvio.padrao <- sqrt(diag(solve(Io)))
> estimativa[1]+c(-1,1)*qnorm(0.975)*desvio.padrao[1]
> estimativa[2]+c(-1,1)*qnorm(0.975)*desvio.padrao[2]
[1] 1.941420 2.515715
[1] 0.3514484 0.5039054
```



Regressão de Poisson: estimação pela `glm()`

• estimativas

```
> reg.glm <- glm(y~cov, data=dados10, family=poisson)
> summary(reg.glm)$coeff
```

	Estimate	Std. Error	z value	Pr(> z)
(Intercept)	2.2285674	0.14650663	15.21138	2.972301e-52
cov	0.4276769	0.03889281	10.99630	3.981440e-28

• IC assintótico

```
> confint.default(reg.glm)
```

	2.5 %	97.5 %
(Intercept)	1.9414197	2.5157151
cov	0.3514484	0.5039054

• IC perfilhado

```
> confint(reg.glm)
```

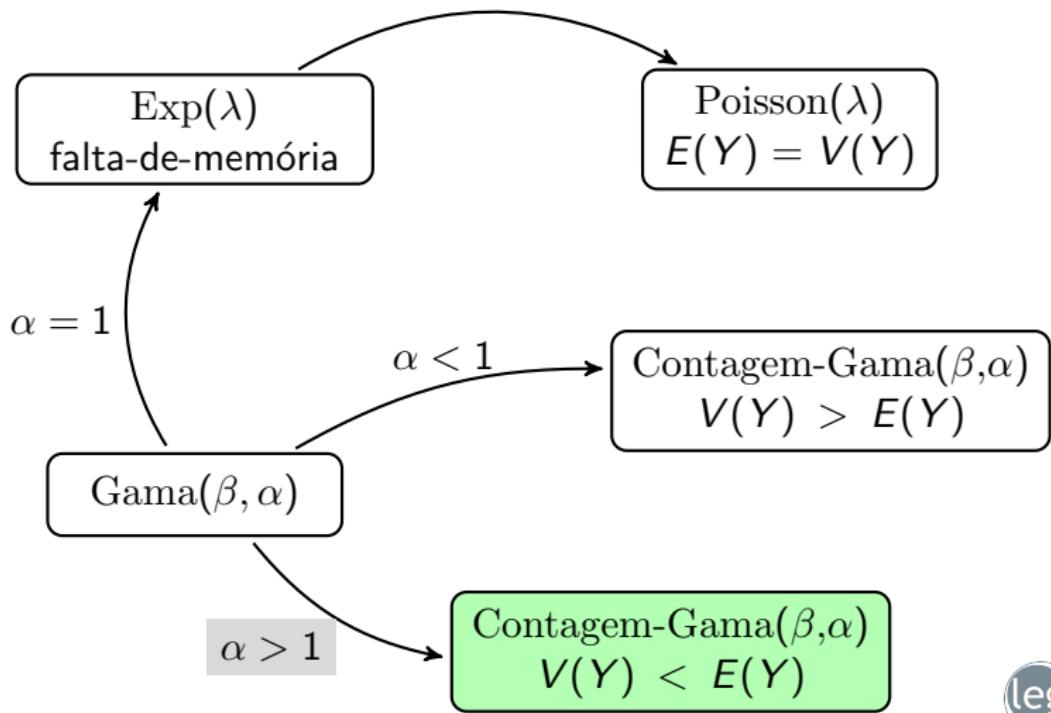
Waiting for profiling to be done...

	2.5 %	97.5 %
(Intercept)	1.9327201	2.5074004
cov	0.3525055	0.5050645

Regressão contagem-Gama: motivação

- Poisson implica relação média-variância: $E(Y) = V(Y)$;
- Superdispersão ($V(Y) > E(Y)$): Binomial negativa, Quasi-Poisson, GLMM, ...;
- Subdispersão ($V(Y) < E(Y)$): carente de modelos;
- Experimentos agronômicos: frutos, sementes, brotos, raízes, nós, filhotes, ovos, pústulas, lesões, nódulos, ...;

Regressão contagem-Gama: introdução



Regressão contagem-Gama: introdução

$$\text{Gama}(y; \beta, \alpha) = \frac{\beta^\alpha}{\Gamma(\alpha)} \exp\{-\beta y\} \cdot y^{\alpha-1}$$

$$\left. \right\} \alpha = 1$$

$$\text{Exp}(\beta) = \beta \exp\{-\beta y\}$$

Regressão contagem-Gama: desenvolvimento

- intervalos entre tempo $\tau \sim \text{Gama}(\alpha, \beta)$,

$$f(\tau, \alpha, \beta) = \frac{\beta^\alpha}{\Gamma(\alpha)} \cdot \tau^{\alpha-1} \cdot \exp\{-\beta\tau\}$$

- tempo até o n -ésimo evento $\vartheta_n = \tau_1 + \dots + \tau_n \sim \text{Gama}(n\alpha, \beta)$,

$$f_n(\vartheta, \alpha, \beta) = \frac{\beta^{n\alpha}}{\Gamma(n\alpha)} \cdot \vartheta^{n\alpha-1} \cdot \exp\{-\beta\vartheta\}$$

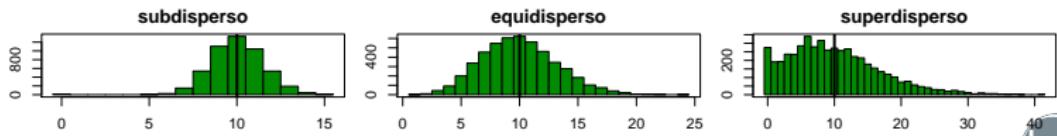
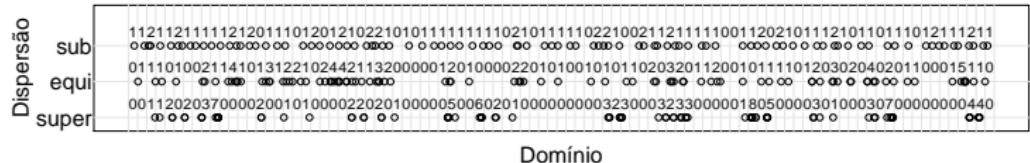
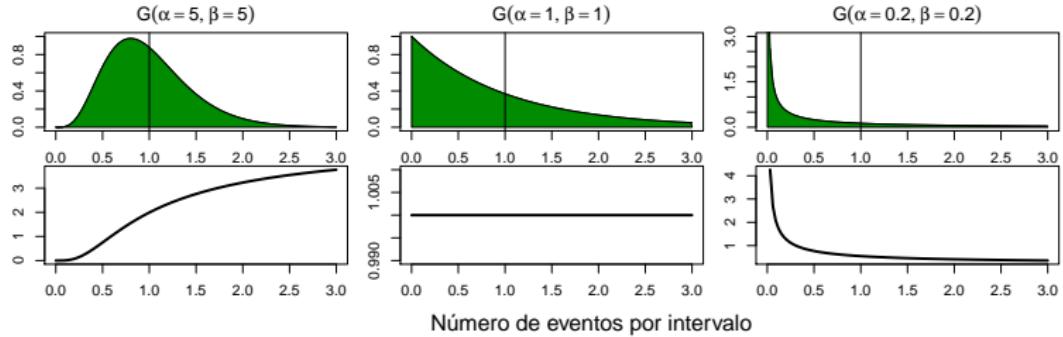
- $N_T < n$ se e somente se $\vartheta_n \geq T$,

$$P(N_T < n) = P(\vartheta_n \geq T) = 1 - F_n(T);$$

- $P(N_T = n) = P(N_T < n+1) - P(N_T < n)$ então

$$P(N_T = n) = F_n(T) - F_{n+1}(T).$$

Regressão contagem-Gama: simulação



Regressão contagem-Gama: verossimilhança

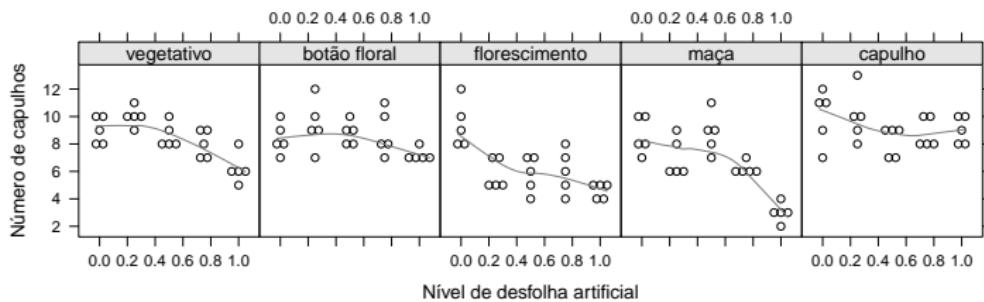
- $F_n(T) = G(T, n\alpha, \beta) = \frac{1}{\Gamma(n\alpha)} \int_0^T u^{n\alpha-1} \cdot \exp\{-\beta u\} du$
- $P(N_T = n) = G(T, n\alpha, \beta) - G(T, (n+1)\alpha, \beta)$
- $E(\tau|x) = \frac{\alpha}{\beta} = \exp\{-x^\top \gamma\}$
- $\ell(y; x, \alpha, \gamma, T) =$

$$\sum_{i=1}^n \ln \left(G(T, y_i \alpha, \alpha \exp\{x_i^\top \gamma\}) - G(T, (y_i + 1) \alpha, \alpha \exp\{x_i^\top \gamma\}) \right)$$

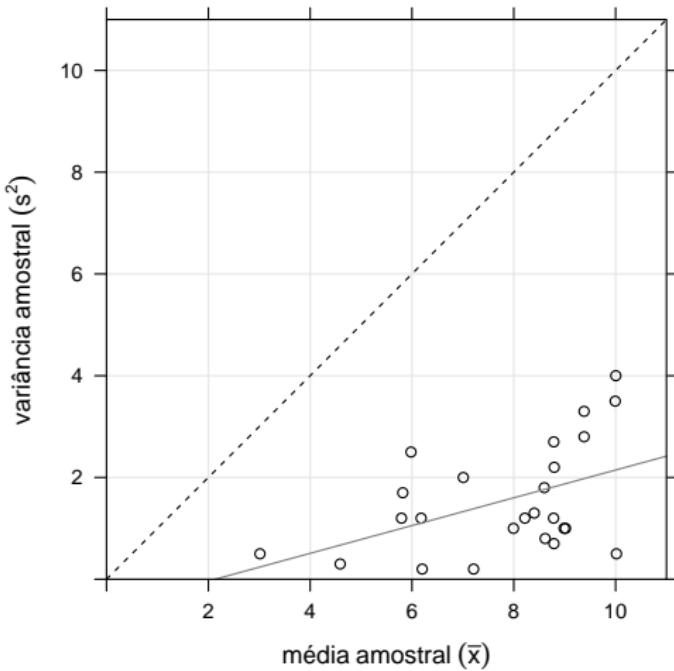
```
ll <- function(theta, y, X, T=1){
  eXb <- exp(crossprod(X, theta[-1]))
  sum(log(pgamma(T, theta[1]*y, theta[1]*eXb)-
           pgamma(T, (theta[1]+1)*y, theta[1]*eXb)))
}
```

Regressão contagem-Gama: estudo de caso

- Número de capulhos do algodão \sim nível de desfolha + estágio fenológico;
- Experimento em vasos, fatorial 5×5 com 5 repetições;



Regressão contagem-Gama: análise exploratória



Regressão contagem-Gama: estimação

```

> X <- model.matrix(~est:(des+I(des^2)), data=cap)
> rp <- glm(nc~est:(des+I(des^2)), data=cap, family=poisson)
> cbind(estimativas=coef(rp)) # estimativas

                                estimativas
(Intercept)                2.189560352
estvegetativo:des          0.436859418
estbotao:des               0.289715410
...
estcapulho:I(des^2)        -0.019970497

> gam <- coef(rp)
> chutes <- c(alpha=1, gam)
> # estimação por máxima verossimilhança
> op <- optim(chutes, ll, y=cap$nc, X=X, hessian=TRUE,
+               method="BFGS", control=list(fnscale=-1))
> cbind(estimativas=op$par) # estimativas

                                estimativas
alpha                      5.112297805
(Intercept)                 2.234239342
estvegetativo:des          0.412024360
estbotao:des               0.274377741
...
estcapulho:I(des^2)        -0.018586566

> # 2*diferença da log-verossimilhança
> dll <- c(diff.ll=2*abs(op$value-c(logLik(rp)))); dll

diff.ll
94.83326

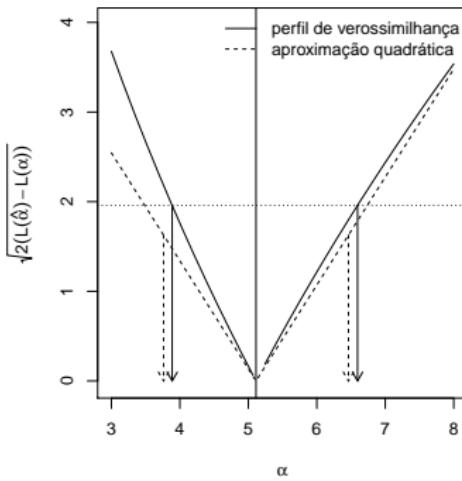
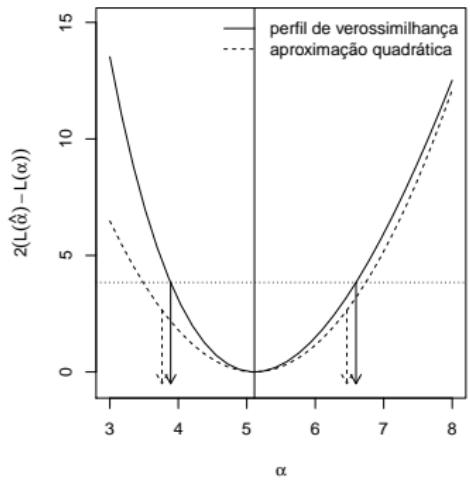
```

Regressão contagem-Gama: perfil para α

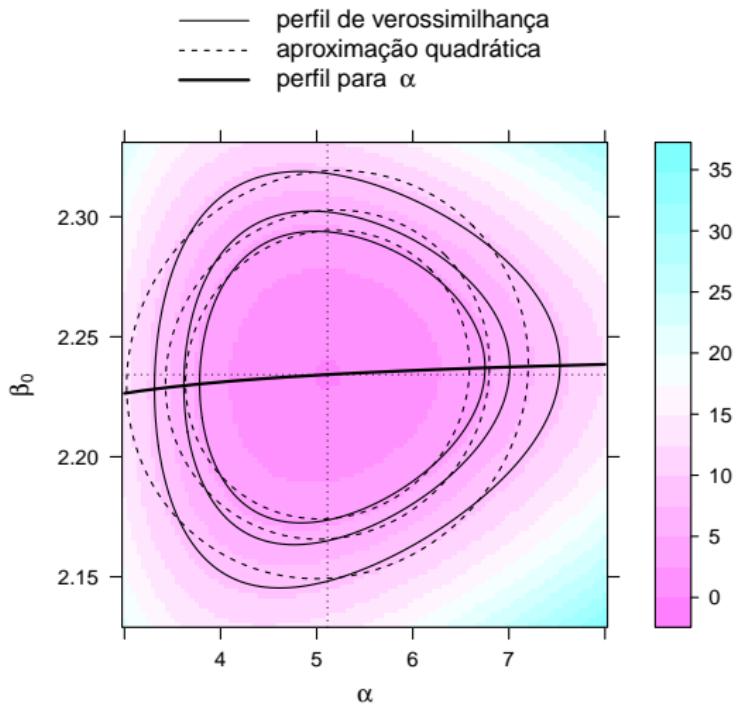
```
ll.alpha <- function(theta, alpha, y, X){
  eXb <- exp(X%*%theta) #*theta[1]
  sum(log(pgamma(1, alpha*y, alpha*eXb)-
    pgamma(1, alpha*y+alpha, alpha*eXb)))
}
```

```
> alpha <- sort(c(seq(3,8,l=30), op$par[1])) # grid de valores para alpha
> perfil <- sapply(alpha,
+                     function(a){
+                       op <- optim(coef(rp), ll.alpha, alpha=a, y=cap$nc, X=X,
+                                   method="BFGS", control=list(fnscale=-1))
+                       c(op$value, op$par[1])
+                     })
> coef <- op$par; vcov <- -solve(op$hessian); llik <- op$value
> alp <- coef["alpha"]; sd.alp <- sqrt(vcov["alpha","alpha"])
> dev.perf <- 2*(llik-perfil[1,]) # deviance da log-ver perfilhada
> dev.quad <- (alp-alpha)^2/sd.alp^2 # deviance da apro quadrática
> require(rootSolve)
> qchi <- qchisq(0.95, df=1)
> fperf <- approxfun(alpha, dev.perf-qchi)
> lim <- uniroot.all(fperf, c(0, 10)) # limites do IC perf
> lim2 <- alp+c(-1,1)*1.96*sd.alp # limites do IC assint
```

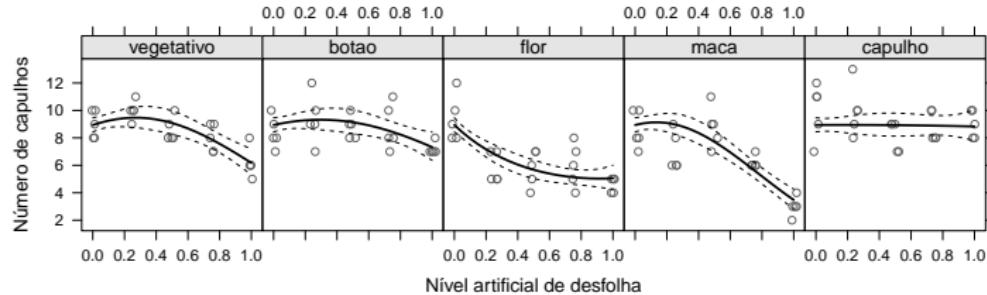
Regressão contagem-Gama: perfil para α



Regressão contagem-Gama: perfil para α e β_0



Regressão contagem-Gama: resultado final



```
> tabcoef <- data.frame(Estimativas=coef, ErroPadrão=sqrt(diag(vcov)))
> tabcoef$zvalor <- with(tabcoef, Estimativas/ErroPadrão)
> tabcoef$pvalor <- with(tabcoef, pnorm(abs(zvalor), lower=FALSE)*2)
> tabcoef
```

	Estimativas	ErroPadrão	zvalor	pvalor
alpha	5.112297805	0.68872753	7.42281614	1.146559e-13
(Intercept)	2.234239342	0.02802741	79.71622031	0.000000e+00
estvegetativo:des	0.412024360	0.22796029	1.80743922	7.069382e-02
estbotao:des	0.274377741	0.22448099	1.22227609	2.216032e-01
estflor:des	-1.182180751	0.26654192	-4.43525263	9.196438e-06
estmaca:des	0.319589495	0.24988237	1.27895977	2.009112e-01
estcapulho:des	0.007104167	0.22267231	0.03190413	9.745485e-01
estvegetativo:I(des^2)	-0.762638914	0.25818749	-2.95381824	3.138688e-03
estbotao:I(des^2)	-0.464149443	0.25044536	-1.85329623	6.383991e-02
estflor:I(des^2)	0.645341332	0.30030943	2.14892127	3.164064e-02
estmaca:I(des^2)	-1.198887094	0.29689851	-4.03803680	5.390040e-05
estcapulho:I(des^2)	-0.018586566	0.24424267	-0.07609877	9.393405e-01

Modelo logístico: parametrizações

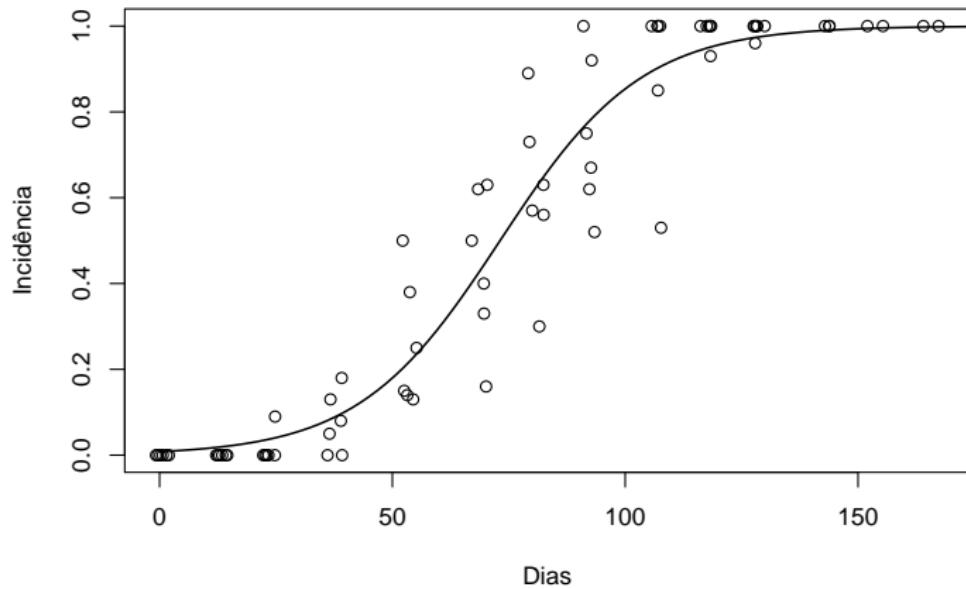
$$\text{logis}(x, \theta, \beta) = \frac{\theta}{1 + f(\exp\{x\}, \beta)} \quad (1)$$

- $f_a(x) = \exp\{(a_1 - x)/a_2\};$
- $f_b(x) = b_1 \exp\{b_2 x\};$
- $f_c(x) = \exp\{c_1 + c_2 x\};$
- $f_d(x) = (-1 + 1/d_1) \exp\{-d_2 x\}.$

$$b_1 = \exp\{a_1/a_2\} \quad c_1 = a_1/a_2 \quad d_1 = 1/(1 + \exp\{a_1/a_2\})$$

$$b_2 = -1/a_2 \quad c_2 = -1/a_2 \quad d_2 = 1/a_2.$$

Modelo logístico: incidência de doença em plantas



Modelo logístico: estimação

```

> ll <- function(th, y, x, model){
+   ex <- do.call(model, list(x=x, th=th))
+   sd <- sqrt(crossprod(y-ex)/length(x))
+   ll <- sum(dnorm(y, mean=ex, sd=sd, log=TRUE))
+   ll
+ }

> # parametrizações
> f.a <- function(x, th){ 1/(1+exp((th[1]-x)/th[2])) }
> f.b <- function(x, th){ 1/(1+th[1]*exp(th[2]*x)) }
> f.c <- function(x, th){ 1/(1+exp(th[1]+th[2]*x)) }
> f.d <- function(x, th){ 1/(1+(-1+1/th[1])*exp(-th[2]*x)) }
> # dados
> y <- dados$inc2; x <- dados$dia
> # lista com valores iniciais e modelo
> init.list <- list(A=list(par=c(80,13), model=f.a), B=list(par=c(120,-0.06), model=f.b),
+                      C=list(par=c(5,-0.06), model=f.c), D=list(par=c(0.008, 0.065), model=f.d))
> fixed.list <- list(fn=ll, x=x, y=y, method="BFGS", control=list(fnscale=-1))
> # otimização em série dos modelos
> op.all <-
+   lapply(init.list,
+         function(i){
+           op <- do.call(optim, c(i, fixed.list)); op
+         })
> # estimativas dos parâmetros e log-verossimilhança
> pars <- sapply(op.all, "[[", "par"); pars
> ll0 <- sapply(op.all, "[[", "value"); ll0

```

	A	B	C	D
[1,]	73.12710	120.01001195	4.81592735	0.008455968
[2,]	15.23597	-0.06548208	-0.06584788	0.065166770
	A	B	C	D
57.13773	57.13735	57.13700	57.13430	

Modelo logístico: contornos de confiança

